

Soutenance de thèse de doctorat



**Maud
de Lagarde**

Faculté de médecine
vétérinaire

**Mercredi
21 avril 2021**

12h

En ligne

Conférence Zoom:

ID de réunion : 964 4235 4021

<https://umontreal.zoom.us/j/96442354021?pwd=SlZmWmOzMEppSk9jcmhWT2VYSzYSGFSUT09>

Mot de passe : 957259

JURY

Christopher Fernandez Prada ..	Président rapporteur
John Morris Fairbrother	Directeur de recherche
Julie Arsenault	Codirectrice de recherche
Marie Archambault	Membre du jury
Jacques Mainil	Examineur externe
Alexandre Thibodeau	Représentant de la doyenne de la Faculté

Faculté de médecine vétérinaire

Université 
de Montréal

« PRÉVALENCE, FACTEURS DE RISQUE ET MÉCANISMES DE DISSÉMINATION DES GÈNES DE RÉSISTANCE AUX ANTIBIOTIQUES »

L'espèce équine et l'espèce porcine ont été étudiées en insistant particulièrement sur les antibiotiques de haute importance en médecine humaine dans chaque filière (céphalosporines de 3^e génération et fluoroquinolones respectivement)

La résistance aux antibiotiques a pris une ampleur considérable dans les dernières années. Nous avons étudié deux espèces animales et avons adapté nos objectifs à chaque filière.

Chez le cheval, nous avons montré qu'en France et au Québec, les *E. coli* commensaux provenant de fèces de chevaux sains étaient majoritairement non susceptibles à l'ampicilline, l'amoxicilline/acide clavulanique et la streptomycine et que des *E. coli* multirésistants et porteurs de gènes de BLSE/AmpC étaient détectés dans respectivement 45% et 8% des chevaux. Le blaCTX-M-1 était majoritaire. L'administration d'un traitement médical, le nombre de personnes s'occupant des chevaux, le type d'activité et le fait de participer à un évènement équestre dans les trois derniers mois étaient des facteurs de risque du portage des *E. coli* multirésistants ou producteurs de gènes BLSE/AmpC.

Chez le porc, nos objectifs étaient de caractériser les ETEC :F4 responsables de diarrhée au Québec entre 2008 et 2016. Plus de 90% des isolats d'*E. coli* entérotoxigènes détectés chez des cas de porcs malades étaient multirésistants. De plus, un clone ETEC:F4 à haut risque se dissémine en Amérique du Nord depuis 2013. Les isolats appartenant à ce clone sont ST100, O149:H10. Ils sont multirésistants, et associés à une haute pathogénicité.

Mots clés : Résistance aux antibiotiques, BLSE, non-susceptibilité aux fluoroquinolones, cheval, porc, fructo-oligosaccharides à courte chaîne, clone à haut risque.